

Supplementary Table S2. Genotypes of cases and controls in the discovery and validation studies, and their association with the risk of lung cancer.

Gene	Polymorphism		Discovery				Validation				Combined			
			Model, <i>P</i> -value				Model, <i>P</i> -value				Model, <i>P</i> -value			
			Global ^a	Dominant ^b	Recessive ^b	Codominant ^b	Global ^a	Dominant ^b	Recessive ^b	Codominant ^b	Global ^a	Dominant ^b	Recessive ^b	Codominant ^b
<i>CIR1</i>	rs13009079	T/C	0.01	0.002	0.04	0.001	0.02	0.01	0.93	0.04	0.0004	<.0001	0.14	<.0001
<i>SLC38A4</i>	rs2429467	C/T	0.03	0.01	0.06	0.01	0.02	0.01	0.71	0.07	0.003	0.001	0.21	0.001
<i>RRM1</i>	rs1465952	T/C	0.04	0.04	0.21	0.11	0.25	0.05	0.95	0.06	0.01	0.01	0.24	0.02
<i>RECK</i>	rs16932912	G/A	0.0003	0.33	0.0003	0.02	0.81	0.56	0.84	0.58	0.01	0.31	0.00	0.04
<i>SCGB3A1</i>	rs307802	T/C	0.0004	0.24	0.002	0.73	0.01	0.49	0.003	0.07	0.20	0.13	1.00	0.23
<i>SCGB1D2</i>	rs2232946	C/T	0.001	0.02	0.002	0.001	0.76	0.74	0.52	0.56	0.08	0.14	0.062	0.04
<i>CD3D</i>	rs7947185	T/C	0.001	0.01	0.002	0.001	0.28	0.56	0.14	0.32	0.001	0.03	0.00	0.002
<i>CRTC1</i>	rs3746266	T/C	0.003	0.002	0.11	0.001	0.92	0.54	0.88	0.62	0.02	0.01	0.21	0.005
<i>ROS1</i>	rs1998206	A/C	0.003	0.005	0.44	0.02	0.61	0.87	0.28	0.89	0.07	0.04	1.00	0.06
<i>BID</i>	rs8190256	A/C	0.003	0.004	0.04	0.002	0.91	0.85	0.52	0.74	0.03	0.05	0.21	0.04
<i>EDG1</i>	rs3765684	T/C	0.003	0.001	0.37	0.003	0.62	0.50	0.62	0.46	0.14	0.03	0.77	0.08
<i>MS4A1</i>	rs11230333	G/A	0.004	0.001	0.48	0.003	0.99	0.76	0.92	0.77	0.06	0.02	0.67	0.03
<i>PDGFRA</i>	rs6554162	G/A	0.01	0.17	0.03	0.86	0.33	0.16	0.77	0.30	0.31	0.97	0.12	0.55
<i>FGFR1</i>	rs7825208	A/G	0.01	0.39	0.00	0.07	0.93	0.74	0.92	0.75	0.04	0.38	0.01	0.10
<i>HK2</i>	rs619850	T/C	0.01	0.15	0.00	0.01	0.01	0.01	0.39	0.17	0.01	0.005	0.06	0.003
<i>TNK1</i>	rs7219773	C/A	0.01	0.02	0.01	0.004	0.51	0.73	0.41	0.97	0.11	0.05	0.22	0.04
<i>DST</i>	rs4715631	C/T	0.01	0.002	0.21	0.003	0.38	0.64	0.18	0.34	0.01	0.01	0.05	0.003
<i>PDGFRA</i>	rs1800812	G/T	0.01	0.60	0.01	0.63	0.68	0.30	0.98	0.36	0.10	0.62	0.03	0.25
<i>HSD17B11</i>	rs12644152	G/A	0.01	0.01	0.17	0.01	0.57	0.54	0.73	0.74	0.12	0.12	0.16	0.07
<i>ITGB3</i>	rs3809862	C/T	0.01	0.08	0.005	0.01	0.20	0.06	0.77	0.19	0.14	0.77	0.05	0.17
<i>GUSB</i>	rs9530	C/T	0.01	0.01	0.85	0.01	0.87	0.96	0.40	0.86	0.11	0.05	0.77	0.06
<i>BIRC5</i>	rs2071214	A/G	0.01	0.04	0.26	0.21	0.93	0.70	0.85	0.70	0.08	0.19	0.29	0.50
<i>SULT2A1</i>	rs2932766	T/G	0.01	0.01	0.12	0.01	0.50	0.51	0.31	0.36	0.02	0.02	0.06	0.01
<i>BCL2A1</i>	rs8026803	T/C	0.02	0.01	0.05	0.005	0.63	0.60	0.66	0.56	0.02	0.01	0.08	0.01
<i>MMP27</i>	rs2509010	C/T	0.02	0.01	0.81	0.02	0.23	0.68	0.08	0.92	0.17	0.09	0.28	0.07
<i>METT11D1</i>	rs2297717	C/G	0.02	0.01	0.99	0.01	0.84	0.74	0.47	0.63	0.08	0.02	0.64	0.02
<i>EDG1</i>	rs3737578	A/G	0.02	0.01	0.75	0.07	0.36	0.48	0.26	0.31	0.22	0.16	0.34	0.46
<i>N4BP2</i>	rs1706023	C/T	0.02	0.74	0.01	0.60	0.02	0.004	0.15	0.003	0.04	0.03	0.40	0.10
<i>BCL2A1</i>	rs6495460	T/C	0.02	0.03	0.02	0.01	0.62	0.88	0.37	0.79	0.04	0.11	0.02	0.02
<i>S100B</i>	rs2186358	A/C	0.02	0.02	0.24	0.01	0.33	0.27	0.36	0.44	0.03	0.01	0.84	0.02
<i>NTRK3</i>	rs7176520	C/T	0.02	0.01	0.07	0.01	0.09	0.08	0.12	0.04	0.72	0.48	0.91	0.62
<i>ERCC4</i>	rs3136038	C/T	0.02	0.61	0.02	0.58	0.22	0.61	0.06	0.26	0.44	0.45	0.40	0.78
<i>CTSC</i>	rs3758833	T/C	0.02	0.49	0.003	0.03	0.44	0.70	0.38	0.77	0.45	0.57	0.13	0.20
<i>XPC</i>	rs2228001	A/C	0.02	0.10	0.09	0.77	0.40	0.13	0.89	0.26	0.23	0.85	0.15	0.54
<i>XPC</i>	rs3731054	G/C	0.03	0.11	0.01	0.02	0.26	0.13	0.38	0.12	0.01	0.03	0.01	0.005
<i>EGF</i>	rs4444903	G/A	0.03	0.45	0.02	0.11	0.47	0.60	0.14	0.30	0.41	0.83	0.29	0.54
<i>CAP1</i>	rs3122417	C/T	0.03	0.13	0.01	0.02	0.62	0.35	0.41	0.28	0.32	0.58	0.15	0.28
<i>SLC38A4</i>	rs11183610	G/A	0.03	0.15	0.97	0.32	0.24	0.40	0.12	0.66	0.77	0.58	0.81	0.63
<i>RHOH</i>	rs2276894	C/G	0.03	0.01	0.45	0.01	0.58	0.52	0.59	0.67	0.04	0.02	0.96	0.03
<i>ALDH5A1</i>	rs16889393	G/A	0.03	0.22	0.01	0.07	0.11	0.11	0.12	0.06	0.72	0.98	0.25	0.76

<i>DAOA</i>	rs778294	G/A	0.03	0.02	0.96	0.03	0.40	0.45	0.27	0.71	0.05	0.03	0.42	0.07
<i>MGAT5</i>	rs3762484	T/C	0.03	0.01	0.85	0.02	0.18	0.07	0.35	0.06	0.67	0.44	0.63	0.61
<i>AGT</i>	rs11122576	A/G	0.04	0.45	0.02	0.08	0.85	0.86	0.73	0.98	0.21	0.57	0.12	0.24
<i>GSTA3</i>	rs597169	G/T	0.04	0.01	0.59	0.03	0.55	0.72	0.27	0.42	0.17	0.06	0.79	0.22
<i>CYP2R1</i>	rs10741657	G/A	0.04	0.72	0.01	0.27	0.86	0.84	0.64	0.93	0.28	0.93	0.13	0.46
<i>ANGPT2</i>	rs2515507	C/T	0.04	0.29	0.98	0.18	0.11	0.09	0.98	0.07	0.24	0.81	0.24	0.95
<i>POMT2</i>	rs2193594	A/G	0.04	0.03	0.13	0.02	0.77	0.59	0.92	0.69	0.06	0.02	0.20	0.02
<i>BCMO1</i>	rs12934922	A/T	0.04	0.02	0.18	0.02	0.35	0.24	0.47	0.39	0.04	0.02	0.51	0.02
<i>CASP14</i>	rs11085944	G/A	0.04	0.71	0.04	0.74	0.81	0.77	0.62	0.91	0.29	0.88	0.15	0.77
<i>VIP</i>	rs688136	T/C	0.04	0.11	0.09	0.38	0.32	0.62	0.26	0.89	0.66	0.55	0.52	0.73
<i>CD3E</i>	rs2231439	A/G	0.04	0.04	0.02	0.01	0.12	0.42	0.12	0.96	0.03	0.30	0.01	0.05
<i>NBN</i>	rs12677527	C/T	0.04	0.72	0.02	0.26	0.21	0.48	0.08	0.14	0.01	0.75	0.01	0.07
<i>HK2</i>	rs608112	G/A	0.04	0.06	0.06	0.02	0.04	0.19	0.14	0.68	0.03	0.02	0.64	0.04
<i>BRCA2</i>	rs3092989	G/A	0.04	0.34	0.03	0.15	0.77	0.61	0.83	0.68	0.22	0.32	0.11	0.18
<i>CASP14</i>	rs3761057	A/G	0.04	0.85	0.04	0.62	0.88	0.94	0.65	0.95	0.26	0.85	0.14	0.79
<i>PARP2</i>	rs3093873	C/T	0.04	0.01	0.07	0.01	0.30	0.77	0.14	0.82	0.26	0.04	0.65	0.06
<i>DHRS7</i>	rs399535	G/A	0.05	0.87	0.02	0.20	0.01	0.02	0.13	0.31	0.19	0.11	0.38	0.11
<i>AKAP13</i>	rs2169876	C/T	0.05	0.01	0.93	0.02	0.96	0.93	0.57	0.80	0.15	0.09	0.58	0.18
<i>GJA1</i>	rs2071165	G/A	0.05	0.03	0.80	0.06	0.73	0.70	0.40	0.98	0.11	0.05	0.67	0.16
<i>BNIP1</i>	rs171725	A/G	0.05	0.02	0.15	0.01	0.98	0.88	0.95	0.91	0.22	0.08	0.32	0.06
<i>FMO5</i>	rs2289575	G/C	0.05	0.01	0.33	0.01	0.83	0.57	0.83	0.56	0.08	0.02	0.39	0.02
<i>ITGB3</i>	rs7208055	C/A	0.05	0.11	0.03	0.03	1.00	0.94	0.86	0.99	0.20	0.23	0.11	0.11
<i>CALB1</i>	rs3087750	G/A	0.05	0.56	0.04	0.70	0.42	0.62	0.41	0.94	0.60	0.97	0.32	0.71
<i>ALDH5A1</i>	rs2744574	T/C	0.05	0.09	0.09	0.05	0.95	0.90	0.72	0.98	0.17	0.19	0.14	0.12
<i>MYH11</i>	rs16967494	C/T	0.05	0.19	0.02	0.04	0.75	0.86	0.49	0.82	0.08	0.40	0.03	0.09
<i>BNIP3L</i>	rs9644114	A/G	0.05	0.92	0.02	0.47	0.36	0.38	0.18	0.24	0.42	0.60	0.32	0.85
<i>BCL6</i>	rs16862537	A/G	0.05	0.37	0.04	0.12	0.40	0.25	0.27	0.17	0.03	0.13	0.03	0.04
<i>RASGRF1</i>	rs13379704	T/C	0.05	0.03	0.36	0.07	0.07	0.15	0.98	0.08	0.06	0.01	0.66	0.01

Abbreviations: MAF, minor allele frequency

^aTwo-sided χ^2 test for genotype distributions between the cases and controls.

^bOdds ratios (ORs), 95% confidence intervals (CIs) and *P*-values were calculated by unconditional logistic analysis, adjusted for age, sex, smoking status.